



## Edoardo Errichiello

**Indirizzo (lavoro):** Via C. Forlanini 14, Pavia, 27100 Pavia (Italia)

**Numero di telefono:** (+39) 0382987733 (ufficio)

**Indirizzo e-mail:** edoardo.errichiello@unipv.it

### ESPERIENZA LAVORATIVA

#### **Ricercatore a tempo determinato (Genetica Medica MED/03) - RTDB**

*Università degli Studi di Pavia - Dipartimento Medicina Molecolare, Unità di Biologia Generale e Genetica Medica*  
[30/05/2023 – attuale]

**Città:** Pavia

**Paese:** Italia

#### **Ricercatore a tempo determinato (Genetica Medica MED/03) - RTDA**

*Università degli Studi di Pavia - Dipartimento Medicina Molecolare, Unità di Biologia Generale e Genetica Medica*  
[16/03/2018 – 16/03/2023]

**Città:** Pavia

**Paese:** Italia

Attività didattica svolta in lingua italiana e inglese nei corsi di laurea in Medicina e Chirurgia (Golgi e Harvey), Biotecnologie Mediche e Farmaceutiche, e scuola di specializzazione in Genetica Medica.

Attività di ricerca nell'ambito delle malattie genetiche rare, in particolare: analisi bioinformatica dei dati NGS (whole-exome sequencing, whole-genome sequencing, RNA-seq), saggi funzionali per validazione di varianti di significato incerto (VUS) e/o in nuovi geni malattia, real-time PCR, sequenziamento tipo Sanger, analisi microsatelliti, test HUMARA per lo studio dell'inattivazione del cromosoma X

#### **Dirigente Sanitario Convenzionato**

*Fondazione IRCCS Istituto Neurologico Casimiro Mondino - Unità Citogenetica, Citogenetica Molecolare e Genetica Molecolare*  
[11/11/2019 – Attuale]

**Città:** Pavia

**Paese:** Italia

Attività diagnostica in ambito pre e postnatale nei settori di Genetica Molecolare (whole-exome sequencing, Sanger Sequencing, analisi microsatelliti) e Citogenetica Molecolare (array-CGH, SNP-array), in particolare riguardante l'analisi dati e refertazione (~150 analisi di esoma e 100 array-CGH/SNP-array/anno). L'attività assistenziale è affiancata e integrata da quella di ricerca traslazionale, all'interno dell'Unità di Genetica Clinica e Molecolare delle Malattie Rare della Fondazione Mondino, che si propone lo studio delle basi genetiche di malattie neurologiche rare sia in età pediatrica che adulta

#### **Post-doc**

*Università degli Studi di Pavia - Dipartimento Medicina Molecolare, Unità di Biologia Generale e Genetica Medica*  
[01/11/2016 – 15/03/2018]

**Città:** Pavia

**Paese:** Italia



Attività di ricerca e diagnostica nell'ambito delle malattie genetiche rare mediante diverse metodiche: whole-exome sequencing, pannelli NGS, sequenziamento Sanger, analisi di microsatelliti, cariotipo, array-CGH, FISH, immunisto chimica, western blotting, immunofluorescenza, test ELISA

**Dottorando (Corso di dottorato in Genetica, Biologia Molecolare e Cellulare, Ciclo XXIX)**

*Università degli Studi di Pavia - Dipartimento Medicina Molecolare, Unità di Biologia Generale e Genetica Medica*

[01/11/2013 – 31/10/2016]

**Città:** Pavia

**Paese:** Italia

Attività di ricerca nell'ambito delle malattie genetiche rare mediante diverse metodiche: whole-exome sequencing, pannelli NGS, sequenziamento Sanger, analisi di microsatelliti, cariotipo, array-CGH, FISH, immunisto chimica, western blotting, immunofluorescenza, test ELISA

**Visiting Scientist**

*National Institutes of Health (NIH), National Institute on Aging (NIA), Laboratory of Neurogenetics*

[01/11/2012 – 31/10/2013]

**Città:** Bethesda

**Paese:** Stati Uniti

Analisi genetiche in pazienti affetti da malattie neurodegenerative ed autoimmuni, in particolare sclerosi laterale amiotrofica (SLA) e miastenia grave, mediante diverse metodiche molecolari (whole-exome sequencing, sequenziamento Sanger, analisi di frammenti, Real-time PCR)

**Biologo borsista**

*Azienda Ospedaliera Materno Infantile Regina Margherita-S. Anna di Torino, Unità di Genetica Medica*

[01/09/2011 – 31/10/2012]

**Città:** Torino

**Paese:** Italia

Analisi genetiche in pazienti affetti da malattie autoinfiammatorie e sclerosi laterale amiotrofica (SLA) mediante diverse metodiche (sequenziamento Sanger, pannelli NGS, cariotipo) e successiva refertazione

**Visiting Scientist**

*Kimmel Cancer Center, Thomas Jefferson University, Laboratory of Oncogenomics*

[01/04/2011 – 30/09/2011]

**Città:** Philadelphia

**Paese:** Stati Uniti

Analisi genetiche nell'ambito dell'oncogenomica mediante diverse metodiche (NGS, sequenziamento Sanger, Real-time PCR, castPCR). Validazione di un protocollo certificato CLIA per la genotipizzazione di *KRAS* e *BRAF* in pazienti oncologici

**Biologo Borsista**

*Azienda Ospedaliera Materno Infantile Regina Margherita-S. Anna di Torino, Unità di Oncoematologia Pediatrica*

[01/03/2008 – 31/03/2011]

**Città:** Torino

**Paese:** Italia



Attività di diagnostica e di ricerca nei settori di biologia molecolare, citofluorimetria, citogenetica, ematologia, biologia cellulare e controllo di qualità (GMP). Incarico per un progetto riguardante l'analisi della metilazione nei tumori cerebrali

### **Biologo Stagista**

*IRCCS Istituto di Candiolo, Fondazione del Piemonte per l'Oncologia – Unità di Anatomia Patologica, Laboratorio di Patologia Molecolare*

[01/11/2007 – 29/02/2008]

**Città:** Torino

**Paese:** Italia

Proseguimento dell'attività di ricerca oggetto della tesi triennale e magistrale finalizzata all'analisi di geni nucleari e mitocondriali nei tumori colorettali mediante tecniche di biologia molecolare, citopatologia ed immunoistochimica. Collaborazione tuttora in corso

### **ISTRUZIONE E FORMAZIONE**

---

#### **Dottorato in Genetica, Biologia Molecolare e Cellulare (Ciclo XXIX)**

*Università degli Studi di Pavia*

**Titolo tesi:** "SMARCA4 inactivating mutations cause concomitant Coffin-Siris syndrome, microphthalmia and small cell carcinoma of the ovary, hypercalcemic type"

#### **Diploma di Specializzazione in Patologia Clinica**

*Università degli Studi di Torino*

**Titolo tesi:** "Lo stress ossidativo contribuisce alla progressione della poliposi associata a *MUTYH* tramite specifiche mutazioni del DNA mitocondriale e del pathway MAPK-ERK"

**Voto tesi:** 70/70 con lode e menzione accademica

#### **Laurea Magistrale in Biologia Sanitaria**

*Università degli Studi di Torino*

**Titolo tesi:** "Pathways genetici alternativi nelle poliposi del colon"

**Voto tesi:** 110/110 con lode

#### **Laurea Triennale in Scienze Biologiche (indirizzo biomolecolare)**

*Università degli Studi di Torino*

**Titolo tesi:** "Mutazioni da danno ossidativo ROS-mediato a carico del DNA mitocondriale nel processo di cancerogenesi colorettale"

**Voto tesi:** 110/110 con lode

#### **Diploma di Liceo Scientifico**

*Liceo Scientifico Carlo Cattaneo*

#### **Abilitazione ai prelievi ematici capillari e venosi**

*Università degli Studi di Torino*



## **ATTIVITA' DIDATTICA**

---

### **CORSI DI INSEGNAMENTO**

#### **Genetica Umana (40 ore)**

Corso di Laurea in Medicina e Chirurgia, Università degli Studi di Pavia

a.a. 2018/2019, 2019/2020, 2020/2021, 2021/2022

#### **Laboratory of Clinical Genetics (12 ore)**

Corso di Laurea in Medicina e Chirurgia in lingua inglese ("Harvey"), Università degli Studi di Pavia

a.a. 2018/2019, 2019/2020, 2020/2021, 2021/2022, 2022/2023, 2023/2024

#### **Genomica Medica e Medicina di Precisione (24 ore)**

Corso di Laurea in Biotecnologie Mediche e Farmaceutiche (percorso medico: Biotecnologie mediche e ricerca biomedica)

Università degli Studi di Pavia

a.a. 2021/2022

#### **The Roots of Disease I (64 ore)**

Corso di Laurea in Medical and Pharmaceutical Biotechnologies, Università degli Studi di Pavia

a.a. 2022/2023, 2023/2024

#### **Scuola di Specializzazione in Genetica Medica (6 ore)**

Università degli Studi di Pavia

a.a. 2017/2018, 2018/2019, 2019/2020, 2020/2021, 2021/2022, 2022/2023

Attività professionalizzanti svolte negli ultimi 5 anni: 570 ore

### **DIDATTICA INTEGRATIVA**

Relatore/Correlatore di 14 tesi nei corsi di Laurea in Biotecnologie, Biologia, Medicina e Chirurgia, Tecniche di laboratorio biomedico, Università Degli Studi di Pavia

## **INCARICHI ACCADEMICI ED ESTERNI**

---

#### **Componente della Giunta del Dipartimento di Medicina Molecolare, Università degli Studi di Pavia**

Triennio 2018-2021 / Triennio 2021-2024

#### **Componente del Gruppo di Ricerca del Dipartimento di Medicina Molecolare, Università degli Studi di Pavia**

Triennio 2019-2022 / Triennio 2022-2025

#### **Componente della Comitato Tecnico Scientifico (CTS) del Centro di Ricerca Interdipartimentale Merged (Migrazione e Riconoscimento Genere Diversità), Università degli Studi di Pavia**

Triennio 2019-2022 / Triennio 2022-2025

#### **Componente della Giunta del Centro di Ricerca Interdipartimentale Merged (Migrazione e Riconoscimento Genere Diversità), Università degli Studi di Pavia**

Triennio 2022-2025

#### **Componente del Gruppo di gestione Assicurazione della Qualità (AQ) Master's program in Medical and Pharmaceutical Biotechnologies (classe LM-9), Università degli Studi di Pavia**

Triennio 2022-2025

#### **Componente della Commissione di Valutazione Master's program in Medical and Pharmaceutical Biotechnologies (classe LM-9), Università degli Studi di Pavia**

a.a. 2022/2023, 2023/2024



## Componente della Commissione giudicatrice per l'esame di ammissione alla Scuola di Specializzazione in Genetica Medica

a.a. 2017/2018, 2018/2019, 2019/2020, 2020/2021, 2021/2022, 2022/2023

## Componente del Gruppo di Lavoro NGS sulle disabilità intellettive dell'Istituto Virtuale Nazionale Malattie Rare

[01/11/2022 – Attuale]

### COMPETENZE LINGUISTICHE

---

Lingua madre: italiano

#### Altre lingue:

##### Inglese

ASCOLTO C1 LETTURA C2 PRODUZIONE ORALE C1

INTERAZIONE ORALE C1

##### Francese

ASCOLTO A2 LETTURA A2 SCRITTURA A1

PRODUZIONE ORALE A1 INTERAZIONE ORALE A1

### COMPETENZE DIGITALI

---

Ottima conoscenza di programmi e pacchetti informatici di base, di analisi statistica e dei programmi grafici (Microsoft Office, Photoshop, SQL); programmi per analisi di sequenze nucleotidiche (Sequencer, SeqScape, SeqScanner) e frammenti (PeakScanner, GeneMapper), disegno e validazione in silico di primers (Primer3, BLAST); strumenti bioinformatici per l'annotazione e l'interpretazione di varianti germinali e somatiche (ad es. ANNOVAR, VEP/Ensembl, IGV, COSMIC, DECIPHER, OMIM, ClinVar, UCSC, HGMD, Alamut, VarSome, Phenomizer, Endeavour, ToppGene, GeneDistiller, gnomAD, ecc...)

### COMPETENZE COMUNICATIVE E INTERPERSONALI

---

Ottime competenze comunicative e relazionali sviluppate nel corso di esperienze lavorative in gruppi di ricerca multidisciplinari in ambito internazionale. Propensione all'ascolto, al confronto ed al lavoro di squadra

### COMPETENZE DI GESTIONE E DIRETTIVE

---

Gestione di personale laureato e tecnico nell'ambito della diagnostica e della ricerca, in particolare dottorandi, borsisti/assegnisti di ricerca, specializzandi, stagisti e tesisti provenienti da diversi corsi di laurea (Medicina, Biotecnologie, Biologia, Tecniche di Laboratorio Biomedico)

### COMPETENZE ORGANIZZATIVE

---

Ottime capacità organizzative, di problem solving, di coordinamento e di gestione delle attività di diagnostica e di ricerca. Orientamento all'obiettivo e al risultato; creatività nello sviluppo di progetti di ricerca scientifica

### ONORIFICENZE E RICONOSCIMENTI

---

Premio SIGU "Claudio Castellan" per la miglior comunicazione in Genetica Clinica (2018)

Premio Gigi Ghirotti (2011)



## ATTIVITA' EDITORIALE

Reviewer per le seguenti riviste scientifiche internazionali: Journal of Medical Genetics, European Journal of Human Genetics, Clinical Genetics, The American Journal of Medical Genetics, European Journal of Medical Genetics, Biochimica et Biophysica Acta (Molecular Basis of Disease), Frontiers in Genetics, Frontiers in Immunology, Molecular Genetics & Genomic Medicine, Diagnostics, European Journal of Paediatric Neurology, Pediatric Research, Brain and Development, European Journal of Ophthalmology, World Journal of Surgical Oncology, Life (MDPI), Hematology, Journal of the Neurological Sciences, OncoTargets and Therapy, JSM Gastroenterology and Hepatology, Journal of Laboratory and Clinical Medicine, Journal of Pediatric Genetics, Medical Sciences. Guest Editor per le riviste Frontiers in Genetics, Medical Sciences, OBM Genetics, Computational and Mathematical Methods in Medicine

## PUBBLICAZIONI

Bonaglia MC, Salvo E, Sironi M, Bertuzzo S, [Errichiello E](#), Mattina T, Zuffardi O. Case Report: Decrypting an interchromosomal insertion associated with Marfan's syndrome: how optical genome mapping emphasizes the morbid burden of copy-neutral variants. *Front Genet.* 2023;14:1244983. doi: 10.3389/fgene.2023.1244983. PMID: 37811140

De Filippi P, [Errichiello E](#), Toscano A, Mongini T, Moggio M, Ravaglia S, Filosto M, Servidei S, Musumeci O, Giannini F, Piperno A, Siciliano G, Ricci G, Di Muzio A, Rigoldi M, Tonin P, Croce MG, Pegoraro E, Politano L, Maggi L, Telese R, Lerario A, Sancricca C, Vercelli L, Semplicini C, Pasanisi B, Bembi B, Dardis A, Palmieri I, Cereda C, Valente EM, Danesino C. Distribution of Exonic Variants in Glycogen Synthesis and Catabolism Genes in Late Onset Pompe Disease (LOPD). *Curr Issues Mol Biol.* 2023;45(4):2847-2860. doi: 10.3390/cimb45040186. PMID: 37185710

Lecca M, Bedeschi MF, Izzi C, Dordoni C, Rinaldi B, Peluso F, Caraffi SG, Prefumo F, Signorelli M, Zanzucchi M, Bione S, Ghigna C, Sassi S, Novelli A, Valente EM, Superti-Furga A, Garavelli L, [Errichiello E](#). Identification of bi-allelic LFNG variants in three patients and further clinical and molecular refinement of spondylocostal dysostosis 3. *Clin Genet.* 2023;104(2):230-237. doi: 10.1111/cge.14336. PMID: 37038048

Lecca M, Pehlivan D, Suñer DH, Weiss K, Coste T, Zweier M, Oktay Y, Danial-Farran N, Rosti V, Bonasoni MP, Malara A, Contrò G, Zuntini R, Pollazzon M, Pascarella R, Neri A, Fusco C, Marafi D, Mitani T, Posey JE, Bayramoglu SE, Gezdirici A, Hernandez-Rodriguez J, Cladera EA, Miravet E, Roldan-Busto J, Ruiz MA, Bauzá CV, Ben-Sira L, Sigaudy S, Begemann A, Unger S, Güngör S, Hiz S, Sonmezler E, Zehavi Y, Jerdev M, Balduini A, Zuffardi O, Horvath R, Lochmüller H, Rauch A, Garavelli L, Tournier-Lasserre E, Spiegel R, Lupski JR, [Errichiello E](#). Bi-allelic variants in the ESAM tight-junction gene cause a neurodevelopmental disorder associated with fetal intracranial hemorrhage. *Am J Hum Genet.* 2023;110(4):681-690. doi: 10.1016/j.ajhg.2023.03.005. PMID: 36996813

Politano D, Gana S, Pezzotti E, Berardinelli A, Pasca L, Carmen Barbero V, Pichiecchio A, Maria Valente E, [Errichiello E](#). A novel variant in *NEUROD2* in a patient with Rett-like phenotype points to Glu130 codon as a mutational hotspot. *Brain Dev.* 2022; S0387-7604(22)00193-0. doi:10.1016/j.braindev.2022.11.004. PMID: 36446697

Tzialla C, Arossa A, Mannarino S, Orcesi S, Veggiotti P, Fiandrino G, Zuffardi O, [Errichiello E](#). *SCN2A* and arrhythmia: A potential correlation? A case report and literature review. *Eur J Med Genet.* 2022;65(12):104639. doi:10.1016/j.ejmg.2022.104639. PMID: 36206969

Caretto A, [Errichiello E](#), Patricelli MG, Zuffardi O, Cristel G, Ravelli S, Sirtori M, Scavini M, Bosi E, Martinenghi S. Transcutaneous electrical stimulation therapy and genetic analysis in Dercum's disease: A pilot study. *Medicine (Baltimore).* 2021;100(51):e28360. doi: 10.1097/MD.00000000000028360. PMID: 34941153

Liu S, Aldinger KA, Cheng CV, Kiyama T, Dave M, McNamara HK, Zhao W, Stafford JM, Descostes N, Lee P, Caraffi SG, Ivanovski I, [Errichiello E](#), Zweier C, Zuffardi O, Schneider M, Papavasiliou AS, Perry MS, Humberson J, Cho MT, Weber A, Swale A, Badea TC, Mao CA, Garavelli L, Dobyns WB, Reinberg D. NRF1 association with AUTS2-Polycomb mediates specific gene activation in the brain. *Mol Cell.* 2021;81(22):4663-4676.e8. doi: 10.1016/j.molcel.2021.09.020. Erratum in: *Mol Cell.* 2021;81(22):4757. PMID: 34637754



- Berlincioni V, Catania C, Acerbi F, Spinillo A, Arossa A, Kurtas NE, [Errichiello E](#), Zuffardi O. Boundaries and precision medicine in consanguineous migrant couples. Genetic counseling after the identification of fetal pathologies. In: "Borders, Migration and Globalization: An Interdisciplinary Perspective" (1st Edition), Routledge 2021; 121-130. ISBN: 978-88-921-0183-8
- Carbone R, Rovedatti L, Lenti MV, Furlan D, [Errichiello E](#), Gana S, Luinetti O, Arpa G, Alvisi C, De Grazia F, Valente EM, Sessa F, Paulli M, Vanoli A, Di Sabatino A. Histologic heterogeneity and syndromic associations of non-ampullary duodenal polyps and superficial mucosal lesions. *Dig Liver Dis.* 2021;53(12):1647-1654. doi: 10.1016/j.dld.2021.03.011. PMID: 33814312
- Bonometti A, Lobascio G, Boveri E, Cesari S, Lecca M, Arossa A, Spinillo A, [Errichiello E](#), Paulli M. Acute megakaryoblastic leukemia with a novel *GATA1* mutation in a second trimester stillborn fetus with trisomy 21. *Leuk Lymphoma.* 2021;62(9):2276-2279. doi: 10.1080/10428194.2021.1907377. PMID: 33783296
- [Errichiello E](#), Giorda R, Gambale A, Iolascon A, Zuffardi O, Giglio S. *RB1CC1* duplication and aberrant overexpression in a patient with schizophrenia: further phenotype delineation and proposal of a pathogenetic mechanism. *Mol Genet Genomic Med.* 2021;9(1):e1561. doi: 10.1002/mgg3.1561. PMID: 33340270
- [Errichiello E](#), Malara A, Grimod G, Avolio L, Balduini A, Zuffardi O. Low penetrance *COL5A1* variants in a young patient with intracranial aneurysm and very mild signs of Ehlers-Danlos syndrome. *Eur J Med Genet.* 2021;64(1):104099. doi: 10.1016/j.ejmg.2020.104099. PMID: 33189937
- [Errichiello E](#), Mina T, Morbini P, Zecca M, Zuffardi O. *FANCA*, *TP53*, and del(5q)/RPS14 alterations in a patient with T-cell non-Hodgkin lymphoma and concomitant Fanconi anemia and Li-Fraumeni syndrome. *Cancer Genet.* 2021;256-257:179-183. doi: 10.1016/j.cancergen.2020.10.003. PMID: 33183999
- [Errichiello E](#), Arossa A, Iasci A, Villa R, Ischia B, Pavesi MA, Rizzuti T, Bedeschi MF, Zuffardi O. An additional piece in the *TBX6* gene dosage model: A novel nonsense variant in a fetus with severe spondylocostal dysostosis. *Clin Genet.* 2020;98(6):628-629. doi: 10.1111/cge.13854. PMID: 33058178
- Todisco M, Gana S, Cosentino G, [Errichiello E](#), Arceri S, Avenali M, Valente EM, Alfonsi E. *KCTD17*-related myoclonus-dystonia syndrome: clinical and electrophysiological findings of a patient with atypical late onset. *Parkinsonism Relat Disord.* 2020;78:129-133. doi: 10.1016/j.parkreldis.2020.07.026. PMID: 32823241
- Maini I, [Errichiello E](#), Caraffi SG, Rosato S, Bizzarri V, Pollazzon M, Trimarchi G, Contrò G, Cavirani B, Gelmini C, Napoli M, Moratti C, Pascarella R, Rizzi S, Fusco C, Zuffardi O, Garavelli L. Improving the phenotype description of Basel-Vanagaite-Smirin-Yosef syndrome, *MED25*-related: polymicrogyria as a distinctive neuroradiological finding. *Neurogenetics.* 2021;22(1):19-25. doi: 10.1007/s10048-020-00625-2. PMID: 32816121
- Bossi G, [Errichiello E](#), Zuffardi O, Marone P, Monzillo V, Barbarini D, Vergori A, Bassi LA, Rispoli GA, De Amici M, Zecca M. Disseminated Mycobacterium Avium Infection in a Child with Complete Interferon- $\gamma$  Receptor 1 Deficiency due to Compound Heterozygosity of *IFNGR1* for a Subpolymorphic Copy Number Variation and a Novel Splice-Site Variant. *J Pediatr Genet.* 2020;9(3):186-192. doi: 10.1055/s-0039-1700803. PMID: 32714620
- [Errichiello E](#), Zagnoli-Vieira G, Rizzi R, Garavelli L, Caldecott KW, Zuffardi O. Characterization of a novel loss-of-function variant in *TDP2* in two adult patients with spinocerebellar ataxia autosomal recessive 23 (SCAR23). *J Hum Genet.* 2020;65(12):1135-1141. doi: 10.1038/s10038-020-0800-4. PMID: 32651480
- [Errichiello E](#), Dardiotis E, Mannino F, Paloneva J, Mattina T, Zuffardi O. Phenotypic Expansion in Nasu-Hakola Disease: Immunological Findings in Three Patients and Proposal of a Unifying Pathogenic Hypothesis. *Front Immunol.* 2019;10:1685. doi: 10.3389/fimmu.2019.01685. PMID: 31396216
- Andolfo I, De Rosa G, [Errichiello E](#), Manna F, Rosato BE, Gambale A, Vetro A, Calcaterra V, Pelizzo G, De Franceschi L, Zuffardi O, Russo R, Iolascon A. *PIEZO1* Hypomorphic Variants in Congenital Lymphatic Dysplasia Cause Shape and Hydration Alterations of Red Blood Cells. *Front Physiol.* 2019;10:258. doi: 10.3389/fphys.2019.00258. PMID: 30930797
- Kurtas NE, Xumerle L, Giussani U, Pansa A, Cardarelli L, Bertini V, Valetto A, Liehr T, Clara Bonaglia M, [Errichiello E](#), Delledonne M, Zuffardi O. Insertional translocation involving an additional nonchromothriptic chromosome in constitutional chromothripsis: Rule or exception? *Mol Genet Genomic Med.* 2019;7(2):e00496. doi: 10.1002/mgg3.496. PMID: 30565424



Kurtas NE, Xumerle L, Leonardelli L, Delledonne M, Brusco A, Chrzanowska K, Schinzel A, Larizza D, Gueneri S, Natacci F, Bonaglia MC, Reho P, Manolakos E, Mattina T, Soli F, Provenzano A, Al-Rikabi AH, [Errichiello E](#), Nazaryan-Petersen L, Giglio S, Tommerup N, Liehr T, Zuffardi O. Small supernumerary marker chromosomes: A legacy of trisomy rescue? *Hum Mutat.* 2019;40(2):193-200. doi:10.1002/humu.23683. PMID: 30412329

Bonaglia MC, Kurtas NE, [Errichiello E](#), Bertuzzo S, Beri S, Mehrjouy MM, Provenzano A, Vergani D, Pecile V, Novara F, Reho P, Di Giacomo MC, Discepoli G, Giorda R, Aldred MA, Santos-Rebouças CB, Goncalves AP, Abuelo DN, Giglio S, Ricca I, Franchi F, Patsalis P, Sismani C, Morí MA, Nevado J, Tommerup N, Zuffardi O. De novo unbalanced translocations have a complex history/aetiology. *Hum Genet.* 2018;137(10):817-829. doi: 10.1007/s00439-018-1941-9. PMID: 30276538

De Bernardi ML, Ivanovski I, Caraffi SG, Maini I, Street ME, Bayat A, Zollino M, Lepri FR, Gnazzo M, [Errichiello E](#), Superti-Furga A, Garavelli L. Prominent and elongated coccyx, a new manifestation of KBG syndrome associated with novel mutation in *ANKRD11*. *Am J Med Genet A.* 2018;176(9):1991-1995. doi: 10.1002/ajmg.a.40386. PMID: 30088855

[Errichiello E](#), Venesio T. Mitochondrial DNA Variations in Tumors: Drivers or Passengers? H. Seligmann (ed.), *Mitochondrial DNA - New Insights*, IntechOpen (London), 2018. doi: 10.5772/intechopen.75188

Palka C, De Marco S, Alfonsi M, Matricardi S, [Errichiello E](#), Morizio E, Guanciali Franchi P, Calabrese G, Mohn A, Chiarelli F. Discovering a familial Xp11.4 microduplication: Does the mother matter? *Meta Gene* 16 (2018) 90-95

Maini I, Ivanovski I, Djuric O, Caraffi SG, [Errichiello E](#), Marinelli M, Franchi F, Bizzarri V, Rosato S, Pollazon M, Gelmini C, Malacarne M, Fusco C, Gargano G, Bernasconi S, Zuffardi O, Garavelli L. Prematurity, ventricular septal defect and dysmorphisms are independent predictors of pathogenic copy number variants: a retrospective study on array-CGH results and phenotypical features of 293 children with neurodevelopmental disorders and/or multiple congenital anomalies. *Ital J Pediatr.* 2018;44(1):34. doi: 10.1186/s13052-018-0467-z. PMID: 29523172

Kurtas N, Arrigoni F, [Errichiello E](#), Zucca C, Maghini C, D'Angelo MG, Beri S, Giorda R, Bertuzzo S, Delledonne M, Xumerle L, Rossato M, Zuffardi O, Bonaglia MC. Chromothripsis and ring chromosome 22: a paradigm of genomic complexity in the Phelan-McDermid syndrome (22q13 deletion syndrome). *J Med Genet.* 2018;55(4):269-277. doi: 10.1136/jmedgenet-2017-105125. PMID: 29378768

[Errichiello E](#), Gorgone C, Giuliano L, Iadarola B, Cosentino E, Rossato M, Kurtas NE, Delledonne M, Mattina T, Zuffardi O. *SOX2*: Not always eye malformations. Severe genital but no major ocular anomalies in a female patient with the recurrent c.70del20 variant. *Eur J Med Genet.* 2018;61(6):335-340. doi: 10.1016/j.ejmg.2018.01.011. PMID: 29371155

Cattaneo M, La Sala L, Rondinelli M, [Errichiello E](#), Zuffardi O, Puca AA, Genovese S, Ceriello A. A donor splice site mutation in *CISD2* generates multiple truncated, non-functional isoforms in Wolfram syndrome type 2 patients. *BMC Med Genet.* 2017;18(1):147. doi: 10.1186/s12881-017-0508-2. PMID: 29237418

[Errichiello E](#), Mustafa N, Vetro A, Notarangelo LD, de Jonge H, Rinaldi B, Vergani D, Giglio SR, Morbini P, Zuffardi O. *SMARCA4* inactivating mutations cause concomitant Coffin-Siris syndrome, microphthalmia and small-cell carcinoma of the ovary hypercalcaemic type. *J Pathol.* 2017;243(1):9-15. doi: 10.1002/path.4926. PMID: 28608987

[Errichiello E](#), Venesio T. Mitochondrial DNA variants in colorectal carcinogenesis: Drivers or passengers? *J Cancer Res Clin Oncol.* 2017;143(10):1905-1914. doi: 10.1007/s00432-017-2418-2. Erratum in: *J Cancer Res Clin Oncol.* 2018; PMID: 28393270

[Errichiello E](#), Casati B, Zuffardi O. Patologia ereditaria da "gain of function". *Prospettive in Pediatria.* 2017; 47(185): 1-9. ISSN 0301-3642

[Errichiello E](#), Vetro A, Mina T, Wischmeijer A, Berrino E, Carella M, Romagnoli M, Sacchini P, Venesio T, Zecca M, Zuffardi O. Whole exome sequencing in the differential diagnosis of Diamond-Blackfan anemia: Clinical and molecular study of three patients with novel *RPL5* and mosaic *RPS19* mutations. *Blood Cells Mol Dis.* 2017;64:38-44. doi: 10.1016/j.bcmd.2017.03.002. PMID: 28376382

Marini S, Limongelli I, Rizzo E, Malovini A, [Errichiello E](#), Vetro A, Da T, Zuffardi O, Bellazzi R. A Data Fusion Approach to Enhance Association Study in Epilepsy. *PLoS One.* 2016;11(12):e0164940. doi: 10.1371/journal.pone.0164940. PMID: 27984588





Errichiello E, Novara F, Cremante A, Verri A, Galli J, Fazzi E, Bellotti D, Losa L, Cisternino M, Zuffardi O. Dissection of partial 21q monosomy in different phenotypes: clinical and molecular characterization of five cases and review of the literature. *Mol Cytogenet.* 2016;9(1):21. doi: 10.1186/s13039-016-0230-3. PMID: 27625702

Borghero G, Pugliatti M, Marrosu F, Marrosu MG, Murru MR, Floris G, Cannas A, Occhineri P, Cau TB, Loi D, Ticca A, Traccis S, Manera U, Canosa A, Moglia C, Calvo A, Barberis M, Brunetti M, Gibbs JR, Renton AE, Errichiello E, Zoledziewska M, Mulas A, Qian Y, Din J, Pliner HA, Traynor BJ, Chiò A; ITALSGEN and SARDINALS Consortia. TBK1 is associated with ALS and ALS-FTD in Sardinian patients. *Neurobiol Aging.* 2016;43:180.e1-5. doi:10.1016/j.neurobiolaging.2016.03.028. PMID: 27156075

Errichiello E, Balsamo A, Cerni M, Venesio T. Mitochondrial variants in MT- CO2 and D-loop instability are involved in *MUTYH*-associated polyposis. *J Mol Med (Berl).* 2015;93(11):1271-81. doi: 10.1007/s00109-015-1312-0. PMID: 26138249

Renton AE, Pliner HA, Provenzano C, Evoli A, Ricciardi R, Nalls MA, Marangi G, Abramzon Y, Arepalli S, Chong S, Hernandez DG, Johnson JO, Bartoccioni E, Scuderi F, Maestri M, Gibbs JR, Errichiello E, Chiò A, Restagno G, Sabatelli M, Macek M, Scholz SW, Corse A, Chaudhry V, Benatar M, Barohn RJ, McVey A, Pasnoor M, Dimachkie MM, Rowin J, Kissel J, Freimer M, Kaminski HJ, Sanders DB, Lipscomb B, Massey JM, Chopra M, Howard JF Jr, Koopman WJ, Nicolle MW, Pascuzzi RM, Pestronk A, Wulf C, Florence J, Blackmore D, Soloway A, Siddiqi Z, Muppidi S, Wolfe G, Richman D, Mezei MM, Jiwa T, Oger J, Drachman DB, Traynor BJ. A genome-wide association study of myasthenia gravis. *JAMA Neurol.* 2015;72(4):396-404. doi: 10.1001/jamaneurol.2014.4103. PMID: 25643325

Venesio T, Balsamo A, Errichiello E, Ranzani GN, Risio M. Oxidative DNA damage drives carcinogenesis in *MUTYH*-associated polyposis by specific mutations of mitochondrial and MAPK genes. *Mod Pathol.* 2013;26(10):1371-81. doi: 10.1038/modpathol.2013.66. PMID: 23599153

Mereuta OM, Baldovino S, Errichiello E, Binello GB, Restagno G, Battaglia GG, Mazzucco G, Roccatello D. Systemic AA amyloidosis as a unique manifestation of a combined mutation of *TNFRSF1A* and *MEFV* genes. *Amyloid.* 2013;20(2):122-6. doi: 10.3109/13506129.2013.775119. PMID: 23461592

Gunetti M, Tomasi S, Giammò A, Boido M, Rustichelli D, Mareschi K, Errichiello E, Parola M, Ferrero I, Fagioli F, Vercelli A, Carone R. Myogenic potential of whole bone marrow mesenchymal stem cells in vitro and in vivo for usage in urinary incontinence. *PLoS One.* 2012;7(9):e45538. doi: 10.1371/journal.pone.0045538. PMID: 23029081

Gunetti M, Noghero A, Molla F, Staszewsky LI, de Angelis N, Soldo A, Russo I, Errichiello E, Frasson C, Rustichelli D, Ferrero I, Gualandris A, Berger M, Geuna M, Scacciarella P, Basso G, Marra S, Bussolino F, Latini R, Fagioli F. Ex vivo-expanded bone marrow CD34(+) for acute myocardial infarction treatment: in vitro and in vivo studies. *Cytotherapy.* 2011;13(9):1140-52. doi: 10.3109/14653249.2011.597559. PMID: 21846293

## COMUNICAZIONI ORALI E ABSTRACTS CONGRESSI

Errichiello E, Spennacchio A, Lecca M, Alfonsi G, Leonardi P, Ottaviani G. Brainstem anomalies in stillbirth: a neuropathological and genetic preliminary study. Comunicazione orale 2023 ISPID International Conference on Stillbirth, SIDS and SUDI. Firenze, 6-8 Ottobre 2023

Errichiello E, Scianaro G, Di Biagio M, Rossi E. A 6-year, Italian single-institution retrospective study of chromosomal microarray analysis in stillbirths. Comunicazione orale 2023 ISPID International Conference on Stillbirth, SIDS and SUDI. Firenze, 6-8 Ottobre 2023

Lecca M, Mauri L, Gana S, Del Longo F, Morelli F, Nicotra R, Valente EM, Cavallari U, Mazza M, Signorini S, Errichiello E. Expanding the genotypic and phenotypic spectrum in a cohort of 65 individuals with congenital cataract. Comunicazione orale UK-EGG Annual Conference Programme. Edimburgo, 9 Giugno 2023

Errichiello E, Lecca M, Mauri L, Gana S, Del Longo F, Morelli F, Nicotra R, Valente EM, Cavallari U, Mazza M, Signorini S. Whole-Exome Sequencing sulla più ampia coorte italiana di pazienti con cataratta congenita e nuovi spunti sul ruolo del glicogenoma nella catarattogenesi. Comunicazione orale 101° Congresso Nazionale SOI. Roma, 16 -19 Novembre 2022

Lecca M, Mauri L, Gana S, Del Longo F, Morelli F, Nicotra R, Valente EM, Cavallari U, Mazza M, Signorini S, Errichiello E. Whole-Exome Sequencing findings in the largest Italian cohort of congenital cataract patients. XXV Congresso Nazionale SIGU. Trieste, 7-9 Settembre 2022



Buongarzone G, Minafra B, Errichiello E, Gana S, Asaro A, Canavero I, Tartara E, Paoletti M, Zangaglia R, Cereda C, Pacchetti C, Valente EM. Movement disorders in a family carrying *ATP7A* variant. *Mov Disord*. 2020; 35 (suppl 1)

Errichiello E, Cimmino, F Arossa A, Fiandrino G, Montella A, Kurtas NEK, Vermeesch JR, Iolascon A, Zuffardi O. Varianti bialleliche in *PI4KA* identificate tramite WES prenatale in un feto con grave ipoplasia del verme cerebellare alterano il pathway Akt/ERK coinvolto nell'autofagia nelle prime tappe del neurosviluppo. Comunicazione orale XXIII Congresso Nazionale SIGU, virtual edition 11-13 Novembre 2020

Maini I, Errichiello E, Caraffi S, Rosato S, Bizzarri V, Pollazzon M, Trimarchi G, Contro G, Gelmini C, Napoli M, Pascarella R, Rizzi S, Fusco C, Zuffardi O, Garavelli L. Improving the phenotype description of Basel-Vanagaite-Smirin-Yosef syndrome, MED25-related: the relevance of neuroimaging findings (abstract E-P11.017). European Human Genetics Virtual Conference ESHG 2020.2, 6-9 Giugno 2020. Conference Paper in *Eur J Hum Genet*, 28: 906-906

Kurtas NE, Zumerle L, Leonardelli L, Giussani U, Pansa A, Cardarelli L, Bertini E, Errichiello E, Delledonne M, Zuffardi O. Chromothriptic events in healthy people: pay attention to "innocent" insertional translocations (abstract P01.20D). 51st Conference of the European Society of Human Genetics (ESHG). Milano, 16-19 Giugno 2018. Conference Paper in *Eur J Hum Genet*, 27: 9-10

Errichiello E, Licari A, Merli P, Carsetti R, Comoli P, Marseglia G, Zuffardi O. Non-response to vaccines: still an enigma? B-cell transcription factor POU2F2/OCT2 is a potential candidate (abstract P07.18B). 51st Conference of the European Society of Human Genetics (ESHG). Milano, 16-19 Giugno 2018. Conference Paper in *Eur J Hum Genet*, 27: 209-209

Errichiello E, Licari A, Merli P, Carsetti R, Volpi S, Mattina T, Zuffardi O. Trio whole exome sequencing (WES) e disturbi del sistema immunitario: scoperta di due nuovi geni malattia ed espansione del fenotipo immunologico nella sindrome di Nasu-Hakola. Comunicazione orale XXI Congresso SIGU. Catania, 25-27 Ottobre 2018

Bonaglia MC, Kurtas NE, Errichiello E, Sara B, Beri S, Mehrjouy MM, Provenzano A, Vergani D, Pecile V, Novara F, Reho P, Di Giacomo MC, Discepoli G, Giorda R, Abuelo DN, Giglio S, Ricca I, Franchi F, Patsalis P, Sismani C, Mori MA, Nevado J, Tommerup N, Zuffardi O. De novo unbalanced translocations have a complex history/aetiology. Comunicazione orale XXI Congresso SIGU. Catania, 25-27 Ottobre 2018

Caraffi SG, Ivanovski I, Errichiello E, Pollazzon M, Lauriello A, Giangiobbe S, Garavelli L, Zuffardi O. *AUTS2* syndrome: a severe case associated with a novel in-frame deletion restricts the minimal critical region of the disease to a histidine-rich motif. XXI Congresso SIGU. Catania, 25-27 Ottobre 2018

Kurtas N, Xumerle L, Delledonne M, Brusco A, Chrzaowska K, Schinzel A, Gueneri S, Manolakos E, Errichiello E, Giglio S, Liehr T, Zuffardi O. Chromothripsis: evolution of de novo small supernumerary marker chromosomes from trisomies (abstract A33). Conference Paper in *Human Genomics*, volume 12, supplement 1

Errichiello E, Mauri L, Del Longo A, Piozzi E, Penco S, Cavallari U, Zuffardi O. Un approccio "di precisione" in pazienti con cataratta congenita mediante analisi dell'esoma. Comunicazione orale XXI Congresso AICCER. Bari, 8-10 marzo 2018

Errichiello E, Arossa A, Iasci A, Vetro A, Fiandrino G, Cesari S, Meroni A, Bedeschi MF, Lalatta F, Zuffardi O. Prenatal WES: non solo consulenza genetica ma migliore comprensione dello sviluppo fetale". Comunicazione orale XX Congresso Nazionale SIGU. Napoli 15-18 Novembre 2017

Pagliazzi A, Bargiacchi S, Provenzano A, Conti V, Andreucci E, Peluso F, Errichiello E, Xumerle L, Parrini E, Guerrini R, Zuffardi O, Giglio S. WES per identificare varianti causative in un bambino con encefalopatia epilettica precoce, eterotopia periventricolare e convulsioni: i pannelli NGS spesso non sono esaustivi. Comunicazione orale XX Congresso Nazionale SIGU. Napoli 15-18 Novembre 2017

Pollazzon M, Mustafa N, Errichiello E, Vetro A, Ivanovski I, Rosato S, Santodirocco D, Maini I, Gelmini C, Mussini M, Barbieri V, Marinelli M, Street ME, Bernasconi S, Garavelli L, Zuffardi O. Microftalmia/coloboma in un paziente con syndrome di Birk-Barel e nuova variante in un gene imprinted in 8q24-3. XIX Congresso Nazionale SIGU. Torino, 23-26 Novembre 2016



Errichiello E, Berrino E, Panero M, Sapino A, Venesio T. Frequent homoplasmic wild-type reversion of cytochrome b variants in MUTYH-associated polyposis. Conferenza "Mitochondrial Medicine: developing new treatments for mitochondrial disease". Wellcome Genome Campus, Hinxton, Cambridge, UK, 4-6 Maggio 2016

Errichiello E, Balsamo A, Fortina P, Ranzani GN, Risio M, Venesio T. Genetic analysis in siblings showing the same MUTYH germline genotype but different morphological and clinical phenotypes. Comunicazione orale XI Congresso AIFEG. Pavia 24-25 Ottobre 2013

Venesio T, Balsamo A, Errichiello E, Ranzani GN, Risio M. Somatic mutations in MUTYH-associated polyposis (MAP) syndrome are markers of a defective base-excision-repair carcinogenesis. Golden Helix Symposia. Torino, 18-21 Aprile 2012

Restagno G, Chiò A, Brunetti M, Ossola I, Barberis M, Errichiello E, Calvo A, Moglia C, Italsgen and Traynor B. Is ALS still a puzzle? A 5-year history. Golden Helix Symposia. Torino, 18-21 Aprile 2012

Mareschi K, Rustichelli D, Muraro M, Castiglia S, Errichiello E, Signorino E, Fagioli F. Potential and immuno-modulant properties of mesenchymal stem cells from amniotic fluid. 37<sup>th</sup> Annual Meeting of the European Group for Blood and Marrow Transplantation. Paris, 3-6 Aprile 2011. Conference Paper in Bone Marrow Transplantation, 46: S14-S14

Gunetti M, Ferrero I, Noghero A, Staszewsky L, De Angelis N, Soldo A, Russo I, Errichiello E, Rustichelli D, Berger M, Marra S, Bussolino F, Latini R, Fagioli F. Ex vivo expanded bone marrow CD34+ for acute myocardial infarction treatment: in vitro and in vivo studies. 37<sup>th</sup> Annual Meeting of the European Group for Blood and Marrow Transplantation. Paris, 3-6 Aprile 2011. Conference Paper in Bone Marrow Transplantation, 46: S304-S304

Mareschi K, Rustichelli D, Gunetti M, Sanavio F, Errichiello E, Ferrero I, Fagioli F. Mesenchymal stem cells expansion by plating whole bone marrow at low cellular density: a more advantageous method for clinical use. XXVII Conferenza Nazionale di Citometria. Ferrara, 14-17 Ottobre 2009. Conference Paper in Cytometry Part A, 77A:174-174

Ferrero I, Mareschi K, Errichiello E, Rustichelli D, Gunetti M, Sanavio F, Muraro M, Mereuta M, Fagioli F. Le cellule staminali del sangue: vecchi e nuovi protocolli. XX Convegno Nazionale AIRT (Associazione InterRegionale Trapianti). Torino, 25-27 Marzo 2009

Gunetti M, Ferrero I, Rustichelli D, Errichiello E, Berger M, Fagioli F. Purified and expanded BMC for cardiac repair after AMI: preliminary preclinical results. 4th Joint Meeting with Mayo Clinic. Torino, 20-21 Novembre 2008

## **CORSI E SEMINARI (RELATORE/DOCENTE)**

---

"Regions of homozygosity improving the diagnostic yield in recessive disorders". 16<sup>th</sup> Goldrain Course in Clinical Cytogenetics. Goldrain, Südtirol, 22-28 Agosto 2023.

"Breakpoint analysis of complex structural variants". 16<sup>th</sup> Goldrain Course in Clinical Cytogenetics. Goldrain, Südtirol, 22-28 Agosto 2023.

"Uno sguardo tra passato, presente e futuro: la ricerca genetica nella cataratta congenita". 4° Convegno Nazionale Cataratta Congenita. Firenze, 12 Novembre 2022

Interactive guided practice, Intensive School of Clinical Bioinformatics. Pavia, 29 Agosto - 2 Settembre 2022

Seminario "Developmental and cancer genes: what connection?". Corso "Cancer and Medical Genetics", Master in Cellular and Molecular Biology, Università degli Studi di Torino, 14 Gennaio 2022

"L'evoluzione in genetica medica: da Darwin alla medicina di precisione". Almo Collegio Borromeo. Pavia, 28 Novembre 2019

"Da varianti deleterie a varianti causative: uso dei databases". Nuovi modelli patogenetici e nuove piattaforme tecnologiche in Genetica Medica. La Città dell'Oasi - Troina (EN), 25 Maggio 2019

25 Maggio 2019 "Whole exome sequencing between clinics and research: deciphering complex cases at the patient's bedside". Aggiornamenti in Neurogenetica. Fondazione I.R.C.C.S. Istituto neurologico Carlo Besta/Università Bicocca, 19 Novembre 2018

"Il sequenziamento di nuova generazione (NGS) nel laboratorio di genetica umana". Istituto C.S.S. Mendel, Roma, 4-5 Ottobre 2018

"Tips and tricks dell'esoma clinico: discussione interattiva di casi risolti e irrisolti". Corso avanzato di citogenetica costituzionale e acquisita IX edizione. Istituto C.S.S. Mendel, Roma, 13-14 settembre 2018



“The Medicine inside the databases”. International Summer School University of Pavia “The New Frontier of Precision Medicine”. Pavia, 3-14 Settembre 2018

“Nuovi pazienti con una sindrome nota: Coffin-Siris Syndrome”. Incontri di Genetica Clinica 2018: dagli array-CGH a whole exome-sequencing: casi clinici complessi, I.R.C.C.S. Arcispedale S. Maria Nuova, Reggio Emilia, 5 Giugno 2018

“Counseling pre-test, post-test. Collaborazione tra clinico e laboratorio”. Corso La genetica tra noi: dalla genetica alla genomica. I.R.C.C.S. Fondazione Mondino, Pavia 17 Maggio 2018

“Basi di genetica delle cardiopatie congenite”. 5° Master Ecografia Fetale. I.R.C.C.S. Policlinico San Donato, San Donato Milanese (MI) 16-17 marzo 2018

“Applicazioni NGS nella genetica medica: whole exome sequencing nelle analisi pre e post natali.” Università degli Studi del Piemonte Orientale Amedeo Avogadro, Novara 2 Ottobre 2017

“Nuovi tools per la diagnosi prenatale”. Corso Medicina del Futuro o Futuro della Medicina? NGS in Clinical Settings. Firenze 21-22 Settembre 2017

“La dissezione genetica del fenotipo complesso: CNV verso mutazioni puntiformi”. Corso Medicina del Futuro o Futuro della Medicina? NGS in Clinical Settings. Firenze 21-22 Settembre 2017

“Mosaicismi, drop-out allelico, revertanti”. Corso Medicina del Futuro o Futuro della Medicina? NGS in Clinical Settings. Firenze 21-22 Settembre 2017

“Second hit: dai tumori alle patologie congenite”. Corso avanzato di citogenetica costituzionale ed acquisita VIII edizione. Roma 14-15 Settembre 2017

“Annotation, interpretation and functional validation of genetic variants in monogenic disorders”. Corso Medicina del Futuro o Futuro della Medicina? NGS in Clinical Settings. Pavia 24-25 Febbraio 2016

“Nuove metodiche per la genotipizzazione di Kras e Braf”, Ospedale Maggiore della Carità. Novara, 28 Marzo 2012

“Nuove tecnologie diagnostiche nell'era post-genomica” Ospedale Mauriziano. Torino, 16 Febbraio 2012

“Le Nuove Frontiere della Ricerca Traslazionale”. Torino, 10 Gennaio 2012

“Tecnologie avanzate per la diagnosi prenatale non invasiva di malattie genetiche e cromosomiche e per la predittività delle complicanze della gravidanza”. Centro Congressi Regione Emilia-Romagna. Bologna, 29 Novembre 2011

*Il sottoscritto, consapevole che – ai sensi dell'art. 76 del D.P.R. 445/2000 – le dichiarazioni mendaci, la falsità negli atti e l'uso di atti falsi sono puniti ai sensi del codice penale e delle leggi speciali, dichiara che le informazioni rispondono a verità. Il sottoscritto dichiara di aver ricevuto l'informativa sul trattamento dei dati personali, pubblicata al seguente link: <https://privacy.unipv.it>. Il sottoscritto è consapevole che il presente documento potrebbe essere oggetto di pubblicazione per finalità di trasparenza sul sito web dell'Università degli Studi di Pavia.*

Pavia, 01/11/2023