

Mariangela Santorsola, PhD - Curriculum Vitae

mariangela.santorsola@unipv.it

Ricercatore a Tempo Determinato-tipo A (RTDA)

TITOLO DI STUDIO

2012/2015 - **Dottorato in Bioinformatica**, Università degli Studi del Sannio, Benevento, Italia. Tesi: Mutazioni mitocondriali nelle malattie umane: annotazione funzionale, prioritizzazione e associazioni con mutazioni nucleari. Relatore: Prof. S Pagnotta, M Attimonelli.

2009/2010 - **Laurea Magistrale in Scienze Biologiche**, Università di Bari, Italia. Tesi: Studi di variabilità e stime di selezione per i geni mitocondriali ATP6, CYB e ND5. Relatore: Prof. M Attimonelli, Dr R Piredda.

ESPERIENZE LAVORATIVE

Ottobre 2022-presente - **Ricercatore a Tempo Determinato-tipo A (RTDA)**, Dipartimento di Biologia e Biotecnologie "Lazzaro Spallanzani" (DBB), Università di Pavia, Italia. Supervisore: Prof. F Lescai.

Ottobre 2021-Settembre 2022 - **How aquatic plants respond to hypoxia**. Assegnista di Ricerca, Dipartimento di Biologia, Università di Pisa. Supervisore: Prof. F Licausi.

Aprile 2020-Settembre 2021 - **P-CARE. Una piattaforma tecnologica per sconfiggere le resistenze alle terapie anticancro**. Assegnista di Ricerca, Dipartimento di Scienze della Vita (DSV), Università di Trieste, Italia. Supervisore: Prof. G Del Sal.

Agosto-Dicembre 2019 - **Raccolta, organizzazione e analisi di dati disponibili mediante interrogazione del database TCGA**, Assegnista di Ricerca, Dipartimento di Scienze della Vita (DSV), Università di Trieste, Italia. Supervisore: Prof. G Del Sal.

Luglio 2017-Luglio 2019 - **PRECANMED, Sviluppo di strategie terapeutiche anticancro personalizzate, mediante coltivazioni di organoidi tumorali**. Assegnista di Ricerca, Laboratorio Nazionale Consorzio per le Biotecnologie (LNCIB), Trieste, Italia. Supervisore: Prof. S Schoeftner.

Ottobre 2016-Giugno 2017 - **CLUSTER IN BIOIMAGING**, Analisi funzionale e statistica dei dati provenienti da piattaforme di Next Generation Sequencing. Bioinformatico, ITB-CNR, Bari, Italia. Supervisore: Prof. Dr E Perlino, S Vicario.

Luglio-Agosto 2016 - **Raccolta ed analisi di dati da sequenziamento massivo di esomi per il riconoscimento di interazioni nucleo-mitocondrio in studi di interesse clinico**. Bioinformatico, IBBE-CNR, Bari, Italia. Supervisore: Prof. G Pesole.

Il sottoscritto, consapevole che – ai sensi dell’art. 76 del D.P.R. 445/2000 – le dichiarazioni mendaci, la falsità negli atti e l’uso di atti falsi sono puniti ai sensi del codice penale e delle leggi speciali, dichiara che le informazioni rispondono a verità.

Il sottoscritto dichiara di aver ricevuto l’informativa sul trattamento dei dati personali, pubblicata al seguente link: <https://privacy.unipv.it>.

Il sottoscritto è consapevole che il presente documento potrebbe essere oggetto di pubblicazione per finalità di trasparenza sul sito web dell’Università degli Studi di Pavia.

Pavia, 17/04/2024